Listado tutores/directores Trabajo Fin de Máster

Máster en Bioinformática

1. Nombre: Abia Holgado, David Ángel

   Categoría Docente: Doctor acreditado

   Experiencia: Investigador en bioinformática en el Centro de Biología Molecular Severo Ochoa (CSIC-UAM). Más de 40 publicaciones científicas en bioinformática, genética y virología. Docente en másteres. Tutor de trabajos de fin de máster en bioinformática.

2. Nombre: Acosta Herrera, Marialbert

   Categoría Docente: Doctora

   Experiencia: Licenciada en Biología y Doctora en Ciencias Biomédicas. Investigadora Miguel Servet. Especialista en genética de enfermedades autoinmunes. Docente en másteres oficiales en las universidades de Granada, La Laguna y Huelva.

3. Nombre: Alonso del Real Arias, Javier

   Categoría Docente: Licenciado en Biotecnología; Doctor en Biomedicina y Biotecnología.

   Experiencia: Transcriptómica, genómica. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

4. Nombre: Bilinski, Melina Elena

   Categoría Docente: Doctora

   Experiencia: Investigadora en el CONICET (Argentina). Especialista en biología celular y cáncer mamario. Autora de publicaciones científicas en el área de genética y oncología.

5. Nombre: Bonzi, Carolina

   Categoría Docente: Graduado en biología, M.Sc. Nutrigenetica Nutrigenomica.

   Experiencia: Genética, biología molecular, nutrición. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación".

6. Nombre: Bueno Fortes, Santiago

   Categoría Docente: Grado en ingeniería informática; Máster en Biología y oncología clínica; Doctor en Bioinformática: Biología y oncología clínica.

   Experiencia: Bioinformática; Análisis de datos ómicos genómicos de expresión y de mutaciones. Líneas principales: Análisis de datos ómicos para poblaciones, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R.

7. Nombre: Cañas Cañas, Rubén

Categoría Docente: Graduado en Biotecnología. Máster en Bioinformática.

Experiencia: Secuenciación de Exoma completo (WES) en humanos para la búsqueda de variantes patogénicas. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones (“metagenómica” y “metataxonómica”).

8. Nombre: Carda Diéguez, Miguel

Categoría Docente: Licenciado en Biología; Doctor en Biotecnología.

Experiencia: Análisis de datos de secuenciación masiva (16S, metagenomas, genomas o metatranscriptomas). Líneas de interés: Análisis de datos ómicos para poblaciones “metagenómica", Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

9. Nombre: Casabó Vallés, Germán

Categoría Docente: Graduado en Biotecnología; Máster en Bioinformática.

Experiencia: Identificación de biomarcadores genéticos (SNPs) y epigenéticos (miARNs y metilación del ADN) para enfermedades humanas. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en Python, Programación en R.

10. Nombre: de la Puente Robles, Beatriz María

Categoría Docente: Licenciada en Biología; Doctora en Biotecnología Molecular.

Experiencia: Neurociencias. Línea de interés: Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

11. Nombre: Del Saz Navarro, Dulcenombre de María

Categoría Docente: Graduada en Biología; Matriculada en un programa de doctorado; Doctora en Bioinformática (fecha prevista de depósito diciembre 2024).

Experiencia: Análisis y generación de redes de co-expresión génicas; Análisis de expresión diferencial de genes. Líneas principales: Programación en Python, Programación en R.

12. Nombre: De Toro Hernando, María

Categoría Docente: Licenciado en Química; Doctor en Biología Molecular; Ayudante Doctor, Titulaciones privadas y Contratado Doctor.

Experiencia: Resistencia a antibióticos, SARS-CoV-2, elementos genéticos móviles, metagenómica. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación", Resistencia a antibióticos.

13. Nombre: Díaz Vidal, Tania

Categoría Docente: Licenciada en Biotecnología; Doctora en Biotecnología Productiva.

Experiencia: Biología Computacional y Diseño de Proteínas.

14. Nombre: Durban Sánchez, Jordi

Categoría Docente: Licenciado Biología; Licenciado Bioquímica; Doctor Bioquímica; Ayudante doctor AVAP.

Experiencia: Análisis genómicos, transcriptómicos, proteómicos y metabolómicos de datos de distinta procedencia. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo".

15. Nombre: Fraga Seijas, Carlota

Categoría Docente: Graduada en Biología Máster en Investigación Biomédica Máster en Bioinformática para Ciencias de la Salud.

Experiencia: Genómica y epigenómica del envejecimiento y la degeneración celular; Modelos predictivos para la respuesta terapéutica en enfermedades. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones.

16. Nombre: Fuentes Trillo, Azahara

Categoría Docente: Graduada en Bioquímica.

Experiencia: Genómica, inmunología computacional. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación", Análisis de datos ómicos para poblaciones.

17. Nombre: Galano Frutos, Juan José

Categoría Docente: Licenciado en Química Bioquímica y Biología Molecular; Contratado Doctor y Profesor de Universidad Privada.

Experiencia: Bioinformática Proteómica, Proteómica Estructural, Bioinformática Farmacológica, Bioinformática en Medicina Personalizada. Líneas de interés: Estudios ómicos de resistencia a antibióticos, Proteómica Estructural / Farmacológica.

18. Nombre: García Atutxa, Igor

Categoría Docente: Grado en Física; Grado en Ingeniería Electrónica; Máster Universitario en Matemáticas; Máster Universitario en Bioinformática y Bioestadística; Doctorado en Tecnologías de la Computación (cursando).

Experiencia: Secuenciación genómica y la diversidad genética de las poblaciones mexicanas; Análisis de la expresión génica en poblaciones indígenas. Líneas principales: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones.

19. Nombre: García Cebollada, Helena

Categoría Docente: Graduada en Biotecnología; Doctora en Bioquímica y Biología Celular.

Experiencia: Estabilización automática de estructura de proteínas; Predicción de patogenicidad con dinámica molecular. Líneas de interés: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Estudios ómicos de resistencia a antibióticos, Proteómica Estructural / Farmacológica, Programación en Python, Biología de sistemas.

20. Nombre: García López, Juan Pablo

Categoría Docente: Biólogo; Doctor en Biotecnología.

Experiencia: Inmunoinformática: análisis de toxicidad, diseño de vacunas; Búsqueda de antimicrobianos. Línea de interés: Análisis de datos ómicos para poblaciones “metagenómica", DNA Origami para carga de fármacos.

21. Nombre: García, Jimena Taciana

Categoría Docente: Licenciada / Maestría deseable.

Experiencia: Experiencia docente en biotecnología y bioinformática. Conocimiento en análisis genómico y proteico.

22. Nombre: Garzón Garzón, María José

Categoría Docente: Licenciada en Bioquímica; Doctora en Biotecnología.

Experiencia: Microbiota, Biomarcadores clínicos. Búsqueda de biomarcadores para diagnóstico de enfermedades humanas. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones (“metagenómica”), Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

23. Nombre: Gómez Cebrián, Nuria

Categoría Docente: Graduada en Biotecnología, Máster en Bioinformática.

Experiencia: Metabolómica, análisis de esencialidad génica, integración de datos ómicos (metabolómica y transcriptómica), análisis de expresión diferencial, programación. Líneas de interés: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R.

24. Nombre: Grimplet, Jerome

Categoría Docente: Doctor CITA-Aragon.

Experiencia: Genómica y bioinformática en frutales y vid. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación", Análisis de datos ómicos para poblaciones.

25. Nombre: Gutiérrez Macías, Laura

Categoría Docente: Graduada en Biotecnología; Doctor en Biotecnología y Biomedicina.

Experiencia: Secuenciación genómica “resecuenciación" aplicada al diagnóstico genético humano: estudio de mutaciones germinales y somáticas. Líneas principales: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “resecuenciación".

26. Nombre: Hernández Hernández, Laura

Categoría Docente: Licenciado en Biología; Doctor en Biología.

Experiencia: Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

27. Nombre: Lairón Peris, María

Categoría Docente: Graduado en Biotecnología-Máster Bioinformática; Doctor en Biotecnología y Biomedicina.

Experiencia: Manejo y tratamiento de datos clínicos (análisis de datos como variantes, etc. usando R). Líneas de interés: Secuenciación genómica “de novo", Análisis de datos ómicos para poblaciones “metataxonómica”, Análisis transcriptómicos de la expresión génica.

28. Nombre: López Zaplana, Álvaro

Categoría Docente: Grado en Biotecnología; Doctorado en Biología Molecular y Biotecnología.

Experiencia: Aquaporinas, interacción entre proteínas y fármacos, proteómica estructural, neurobiología, enfermedades neuronales/cardíacas. Líneas de interés: Análisis de datos ómicos para poblaciones “metagenómica", Estudios transcriptómicos de tóxicos neuronales.

29. Nombre: Lucantoni, Federico

Categoría Docente: Doctor.

Experiencia: Investigador Ramón y Cajal en el Centro de Investigación Príncipe Felipe (CIPF). Especialista en biología del cáncer, bioenergética mitocondrial y edición genética.

30. Nombre: Mansego Talavera, María Luisa

Categoría Docente: Doctora.

Experiencia: Investigadora postdoctoral en Navarrabiomed. Especialista en bioinformática translacional y evaluación de servicios sanitarios. Doctora en Ciencias Biológicas (tesis sobre genética y estrés oxidativo).

31. Nombre: Marín García, Pablo

Categoría Docente: Licenciado en CC biológicas; Doctor en cc biológicas.

Experiencia: Visualización y análisis de datos de secuenciación genómica orientados a la toma de decisiones clínicas; Desarrollo de nuevas herramientas interactivas y métodos de control de calidad en genómica clínica. Líneas principales: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “resecuenciación", Programación en Python, Programación en R.

32. Nombre: Martín Molina, Francisco

Categoría Docente: Doctor acreditado / Profesor en másteres.

Experiencia: Investigador principal en GENYO. Experto en terapia génica y celular, CAR-T, y edición genética. Fundador de empresas biotecnológicas y autor de más de 90 publicaciones científicas.

33. Nombre: Martínez Montañés, Fernando

Categoría Docente: Ingeniero Agrónomo; Doctor en Bioquímica y Biología Molecular; Profesor Contratado Doctor.

Experiencia: Análisis multiómicos en pacientes del síndrome de Cornelia de Lange. Líneas principales: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Estudios ómicos de resistencia a antibióticos.

34. Nombre: Medina Salas, Daniel

Categoría Docente: Ingeniería en Biotecnología Molecular; Doctor en Biotecnología.

Experiencia: Metagenómica de ambientes acuáticos, microbioma de organismos de interés en acuicultura, genómica microbiana. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones “metagenómica" y “metataxonómica”.

36. Nombre: Moldovan Moldovan, Roxana Andreea

Categoría Docente: Grado en Bioquímica + Máster en Bioinformática.

Experiencia: Filogenia, genómica, transcriptómica, single cell, análisis bioinformáticos y estadísticos. Centrada en la integración multiómica. Cubre múltiples líneas ómicas y programación.

37. Nombre: Monge Ochoa, Belén

Categoría Docente: Doctora en bioquímica y genética.

Experiencia: Reproducción humana, genética. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo".

38. Nombre: Monzó Cataluña, Carolina

Categoría Docente: Graduado en Biología, Máster en Bioinformática; Doctorado en ciencias naturales.

Experiencia: Secuenciación con lecturas largas (nanopore/pacbio), single-cell, transcriptómica, envejecimiento, inmunología, metataxonómica, estadística.

39. Nombre: Morante Palacios, Octavio

Categoría Docente: Graduado en Biotecnología; Doctor en Biomedicina (Especialidad Bioinformática y Inmunología).

Experiencia: Inmuno-oncología, Epigenómica. Líneas principales: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Estudios ómicos de resistencia a antibióticos. Integración de múltiples capas de datos ómicos; Desarrollo de aplicaciones web R/Shiny.

40. Nombre: Neef, Alexander

Categoría Docente: Licenciado en Biología, Máster en Bioinformática; Doctor en Biología; Contratado Doctor (acreditación AVAP).

Experiencia: Microbiota, Diagnóstico de cáncer. Desarrollo y aplicación de una pipeline bioinformática para cáncer sólido o análisis de microbiota en alimentos. Líneas

de interés: Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación", Análisis de datos ómicos para poblaciones “metataxonómica”.

41. Nombre: Nieto Sachica, Juan

Categoría Docente: Doctor.

Experiencia: Doctor por la Universitat Autònoma de Barcelona. Tesis sobre respuesta inmune innata y tratamiento con probióticos en cirrosis. Experiencia investigadora en inmunología y microbiología.

42. Nombre: Nikolaeva Koleva, Magdalena

Categoría Docente: Graduada en Biotecnología; Doctora en Biología Molecular y Celular.

Experiencia: Bioinformática Farmacológica y Bioinformática Estructural.

43. Nombre: Ortega Legarreta, Asier

Categoría Docente: Máster en Bioinformática.

Experiencia: Bioinformática, Desarrollo de herramientas (bioconductor), análisis single-cell, metagenomica. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Análisis de datos ómicos para poblaciones.

44. Nombre: Pazos Cabaleiro, Florencio

Categoría Docente: Científico Titular (CSIC).

Experiencia: Doctor en Ciencias (Bioinformática). Líder del grupo de Biología de Sistemas Computacional en el CNB-CSIC. Experto en evolución molecular, redes biológicas. Más de 100 publicaciones científicas.

45. Nombre: Picazo Rubio, Belén María

Categoría Docente: Graduada.

Experiencia: Graduada en Biotecnología. Profesora particular con experiencia en enseñanza de ciencias. Actualmente cursando máster online.

46. Nombre: Riffo Campos, Ángela L.

Categoría Docente: Biotecnóloga; Doctora en Biomedicina y Biotecnología.

Experiencia: Bioinformática Clínica: Análisis de dato ómico (Genómica, Epigenómica y Transcriptómica) y biología de sistemas en Biomedicina (CVD, cáncer, entre otras). Líneas principales: Secuenciación genómica, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R, Biología de sistemas.

47. Nombre: Riobello Suárez, Cristina

Categoría Docente: Graduada en Biología Máster en Biomedicina y Oncología Molecular Máster en Análisis Bioinformático Avanzado; Doctorado en Biomedicina y Oncología Molecular.

Experiencia: Análisis transcriptómicos (microarrays, bulk RNA-seq, single-cell RNA-seq). Análisis de Splicing Alternativo. Líneas de interés: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R.

48. Nombre: Rodríguez Herrero, Verónica

Categoría Docente: Doctora.

Experiencia: Doctora por la Universidad de Alicante (tesis sobre metabolismo del nitrógeno). Especialista en bioquímica y biología molecular. Investigadora en el Departamento de Bioquímica y Biología Molecular de la Universidad de Alicante.

49. Nombre: Rosón Burgo, Beatriz

Categoría Docente: Licenciada en Biología; Doctor en biología molecular y clínica del cáncer.

Experiencia: RNA-seq de célula única del útero humano sano y en diversas patologías. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R, Programación en shell scripting.

50. Nombre: Ruiz de los Mozos, Igor

Categoría Docente: Grado en Agronomía, Master en Biotecnología, PhD en Biotecnología, MSc in System Biology and Bioinformatics; PhD en Biotecnología; Contratado Doctor ayudante doctor.

Experiencia: Human genetics, Transcriptomics, RNA binding proteins, Genome evolution, Microbial genetics, Bioinformatics, WGS, WES, High throughput sequencing, Systems. Líneas principales: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo".

51. Nombre: Sabater Olivas, Laura

Categoría Docente: Licenciada en ciencias biológicas; Doctor en biología molecular.

Experiencia: Estudio de los mecanismos genéticos subyacentes en diferentes tipos de fibrosis mediante análisis de datos ómicos. Líneas principales: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Secuenciación genómica.

52. Nombre: Sendra Ortola, Miquel

Categoría Docente: Graduado en Biotecnología; Doctor en Biociencias Moleculares.

Experiencia: Análisis de imagen del desarrollo del corazón; Análisis transcriptómicos y epigenéticos. Líneas principales: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en Python, Programación en R. Análisis de imagen biomédica con Deep Learning (CNN).

53. Nombre: Soler Vila, Paula

Categoría Docente: Licenciada en Farmacia; Doctora en Biomedicina.

Experiencia: Estructura del ADN y expresión génica. Líneas principales: Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R, Programación en shell scripting.

54. Nombre: Tobar Tosse, Henry Fabian

Categoría Docente: Biólogo; Doctorado en Ciencias Biomédicas - énfasis en genómica y bioinformática.

Experiencia: Genómica y Metagenómica en general; desarrollo de flujos de trabajos ómicos en Salud, Biotecnología e industria. Cubre múltiples líneas ómicas y programación.

55. Nombre: Torres Moral, Teresa

Categoría Docente: Licenciada en Microbiología, Master en Genética; Doctora en Medicina e Investigación Traslacional.

Experiencia: Análisis de las ómicas y su integración para el avance en melanoma y síndrome de Turner. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis de datos ómicos para poblaciones, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R/Python.

57. Nombre: Valiente Parra, Nicolás

Categoría Docente: Graduado en Química / Graduado en Ingeniería Forestal; Doctor en Química; Profesor Ayudante Doctor, Profesor Contratado Doctor.

Experiencia: Ecología microbiana. Línea principal: Análisis de datos ómicos para poblaciones “metataxonómica”.

58. Nombre: Valero Rello, Ana

Categoría Docente: Licenciada en Biología; Doctora en Ciencia y Tecnología de los Alimentos; Ayudante Doctor.

Experiencia: Bacteriología y virología, genómica comparada, filogenética, evolución. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación".

59. Nombre: Vallalta Rueda, Juan Francisco

Categoría Docente: Licenciado en Ciencias Físicas.

Experiencia: Aplicaciones de la inteligencia artificial en salud. Línea de interés: Programación en Python.

60. Nombre: Vaquero Tejedor, Juan Ramón

Categoría Docente: Doctor acreditado.

Experiencia: Investigador en el Centro de Investigación en Nanomateriales y Nanotecnología (CINN-CSIC). Especialista en epigenética del cáncer, regulación génica y transcriptómica. Coordinador de proyectos de investigación en enfermedades raras.

61. Nombre: Vázquez Prieto, Severo

Categoría Docente: Licenciado en Farmacia; Doctor por la Universidad de Santiago de Compostela; Profesor Ayudante Doctor; Profesor Lector AQU Catalunya.

Experiencia: Genética de poblaciones parasitarias; Estudios de utilización de medicamentos. Línea principal: Estudios ómicos de resistencia a antibióticos.

62. Nombre: Viayna Gaza, Antonio

Categoría Docente: Graduado en Farmacia; Doctorado en Biomedicina; Profesor Lector, AQU.

Experiencia: Dinámica molecular, Mecánica cuántica, Docking. Líneas de interés: Proteómica Estructural / Farmacológica, Programación en Python.

63. Nombre: Villarreal Díaz, Pablo

Categoría Docente: Licenciado en Biotecnología, Graduado en Ingeniero en Biotecnología Molecular; Doctorado en Biotecnolog.

Experiencia: Genómica de Levaduras, Genetica de Población y Genetica Comparativa. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Secuenciación genómica “de novo", Secuenciación genómica “resecuenciación".

64. Nombre: Zúñiga Trejos, Sheila

Categoría Docente: Licenciada en Biología; Máster en Bioinformática, Máster en Bussiness analytic & Big Data, Máster en Análisis multivariante y big data; Doctora en Biología.

Experiencia: Genómica y transcriptómica para el diagnóstico molecular y aplicaciones basada en Medicina de Precisión. Líneas de interés: Secuenciación genómica, Análisis transcriptómicos de la expresión génica, Programación en R/Python.